

## Computational Challenges in Bioinformatics (C003711)

**Cursusomvang** *(nominale waarden; effectieve waarden kunnen verschillen per opleiding)*

**Studiepunten 6.0** **Studietijd 180 u**

**Aanbodsessies en werkvormen in academiejaar 2025-2026**

A (semester 2)	Engels	Gent	werkcollege zelfstandig werk hoorcollege
----------------	--------	------	--

**Lesgevers in academiejaar 2025-2026**

Fostier, Jan	TW05	Verantwoordelijk lesgever
Dawyndt, Peter	WE02	Medelesgever

**Aangeboden in onderstaande opleidingen in 2025-2026**

	stptn	aanbodsessie
<a href="#">Educatieve Master of Science in de wetenschappen en technologie (afstudeerrichting wiskunde)</a>	6	A
<a href="#">Brugprogramma Master of Science in Bioinformatics (afstudeerrichting Engineering)</a>	6	A
<a href="#">Master of Science in Bioinformatics (afstudeerrichting Engineering)</a>	6	A
<a href="#">Master of Science in Computer Science Engineering</a>	6	A
<a href="#">Master of Science in de informatica</a>	6	A
<a href="#">Master of Science in de wiskunde</a>	6	A
<a href="#">Uitwisselingsprogramma Bioinformatics (niveau master)</a>	6	A
<a href="#">Uitwisselingsprogramma informatica (niveau master)</a>	6	A
<a href="#">Uitwisselingsprogramma wiskunde (niveau master)</a>	6	A

**Onderwijstalen**

Engels

**Trefwoorden**

Performantie, rekenintensieve applicaties, big data, hardware versnelling, datastructuren & algoritmes, bio-informatica

**Situering**

Deze cursus gaat in op enkele computationele uitdagingen in het gebied van de bio-informatica en de technieken die aangewend worden in de wetenschappelijke literatuur om ermee om te gaan. De focus ligt hier zowel op problemen die rekenintensief zijn als problemen die dataintensief zijn ('big data' problemen). Hoewel de nadruk ligt op software oplossingen komt ook het hardware aspect aan bod. Dit opleidingsonderdeel beoogt voornamelijk de studenten die zelf geïnteresseerd zijn softwareontwikkeling voor bio-informatica als doelgroep te bereiken.

**Inhoud**

- Sequentiealignering
  - Needleman-Wunsch en Smith-Waterman algoritmes, geavanceerde varianten
  - Aligneren van meerdere sequenties
  - Implementatie-aspecten en hardware versnelling
- Genpredictie
  - Markov models
  - Viterbi algorithm
- String matching en applicaties
  - Datastructuren en algoritmes voor string matching: suffixbomen,

(Goedgekeurd)

- suffixlijsten, Burrows-Wheeler transformatie, FM index
- Applicaties voor read mapping
- Graaf-gebaseerde algoritmes en applicaties
  - De Bruijn grafen
  - Applicatie op genome assembly

### **Begincompetenties**

Gevorderde programmeervaardigheden in Java, Python of C/C++, gevorderde kennis van datastructuren en algoritmen

### **Eindcompetenties**

- 1 Begrijpen van veelgebruikte datastructuren en algoritmes die frequent voor bio-informatica problemen gebruikt worden.
- 2 De belangrijkste computationeel intensieve applicaties binnen de bioinformatica begrijpen, evenals de gebruikte oplossingstechnieken (of heuristieken).
- 3 Aan de hand van de complexiteit van een algoritme en de probleemgrootte een schatting kunnen maken van de rekentijd.
- 4 Aan de hand van standaard datastructuren en ontwerpstechnieken zelf geavanceerde algoritmes en software-implementaties kunnen ontwikkelen.
- 5 Op kritische wijze algoritmes met elkaar vergelijken, met het oog op computationele haalbaarheid.
- 6 Voldoende tijd spenderen aan het ontwerp en het evalueren van de complexiteit van een algoritme alvorens tot de implementatie over te gaan.
- 7 Begrijpen van de wisselwerking tussen performantie, geheugengebruik en accuraatheid van algoritmes.

### **Creditcontractvoorwaarde**

Toelating tot dit opleidingsonderdeel via creditcontract is mogelijk na gunstige beoordeling van de competenties

### **Examencontractvoorwaarde**

Dit opleidingsonderdeel kan niet via examencontract gevolgd worden

### **Didactische werkvormen**

Werkcollege, Hoorcollege, Zelfstandig werk

### **Studiemateriaal**

Type: Slides

Naam: Lesslides

Richtprijs: Gratis of betaald door opleiding

Optioneel: nee

Taal : Engels

### **Referenties**

- "Biological Sequence Analysis", Richard Durbin, Cambridge University Press, 1998
- "Algorithms on Strings, Trees and Sequences: Computer Science and Computational Biology", Dan Gusfield, 2001
- "Bioinformatics Algorithms: Sequence Analysis, Genome Rearrangements, and Phylogenetic Reconstruction", Enno Ohlebusch, Oldenbusch-Verlag, 2013.

### **Vakinhoudelijke studiebegeleiding**

- Extra uitleg via e-mail.
- Bijkomende informatie via Ufora.

### **Evaluatiemomenten**

periodegebonden en niet-periodegebonden evaluatie

### **Evaluatievormen bij periodegebonden evaluatie in de eerste examenperiode**

Mondelinge evaluatie, Schriftelijke evaluatie

### **Evaluatievormen bij periodegebonden evaluatie in de tweede examenperiode**

Mondelinge evaluatie, Schriftelijke evaluatie

### **Evaluatievormen bij niet-periodegebonden evaluatie**

Vaardigheidstest, Werkstuk

### **Tweede examenkans in geval van niet-periodegebonden evaluatie**

Examen in de tweede examenperiode is niet mogelijk

### **Toelichtingen bij de evaluatievormen**

- Periodegebonden evaluatie: openboekexamen (oefeningen), mondeling examen met schriftelijke voorbereiding
- Niet-periodegebonden evaluatie: beoordeling van huistaken (broncode + verslag)

### **Eindscoreberekening**

Voor beide examenperiodes wordt de eindscore als volgt samengesteld: 25% huistaken, 75% examen. Voor beide examenperiodes geldt dat voor het examenonderdeel een minimumscore van 50% dient gehaald te worden. Is aan deze voorwaarde niet voldaan, dan wordt de eindscore afgetopt op 9/20 voor dit opleidingsonderdeel.